



The CLEAN PAPER

WHAT THE PAPER SAYS · WHAT IT DOESN'T · WHY IT MATTERS

Model je uklonio gotovo svaki progresivni proces starenja. Somatske mutacije ipak su završile misaoni pokus

Model ne kaže da ljudi mogu živjeti 194 godine. Pozadinsku smrtnost zamrzava na razini dobi od 30 godina, isključuje gotovo sve druge progresivne mehanizme starenja i pita kada bi gubitak stanica potaknut mutacijama u četiri modelirana tkiva uzrokovao zatajenje. Njegovi veliki brojevi uvjetni su rezultati, a ne dostižne dobi ili prognoze liječenja.

Written by Laura Nesso · Cross-checked by Cinzia Vaglio · Edited by Michele Renda · Figures by Laura Nesso and Nova Vela · AI-assisted, human-reviewed

Paper: *Somatic mutations impose an entropic upper bound on human lifespan*, Evgeniy Efimov, Vlad Fedotov, Leonid Malaev, Ekaterina E. Khrameeva & Dmitrii Kriukov, *npj Aging* (2026), article in press · DOI: 10.1038/s41514-026-00421-6

Model je uklonio gotovo svaki progresivni proces starenja. Somatske mutacije ipak su završile misaoni pokus

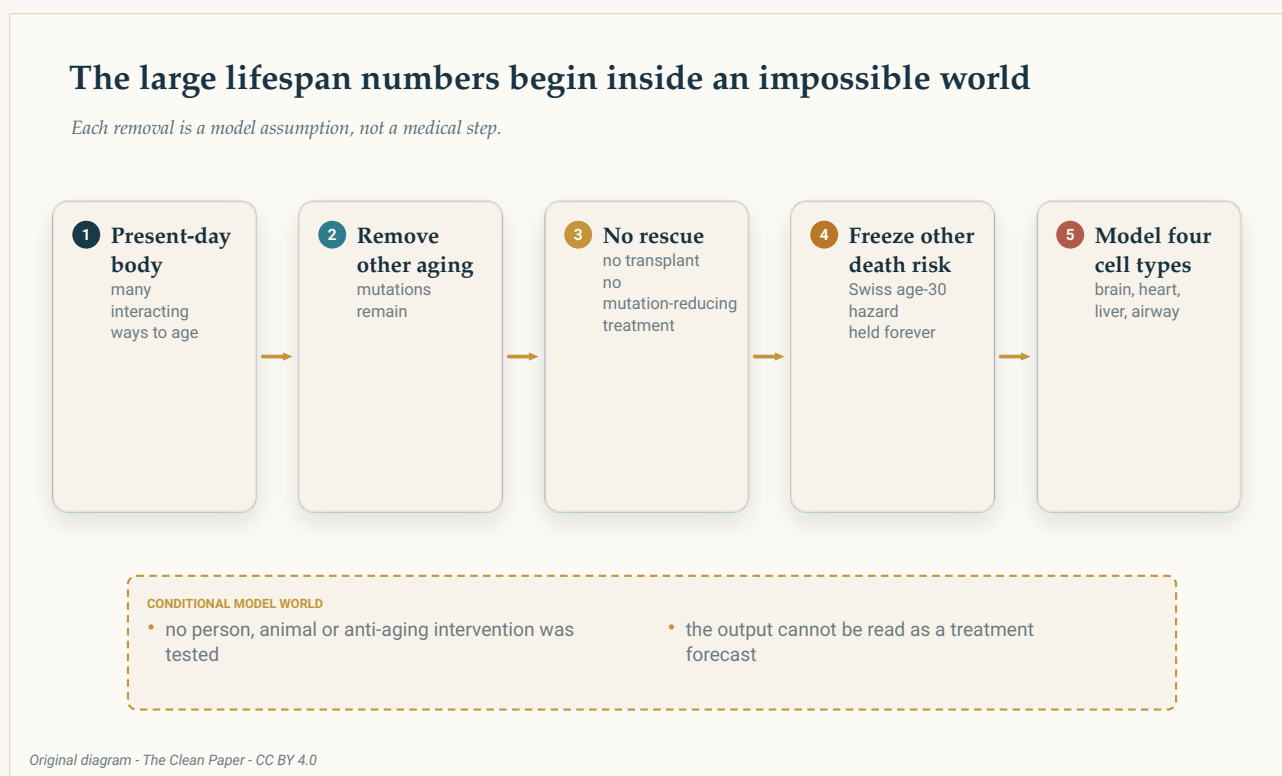
Zamislite ljudsko tijelo u kojem je gotovo svaki poznati proces starenja isključen. Krvne žile se ne pogoršavaju postupno. Proteini ne gube stalno kvalitetu. Upala, rak i drugi kvarovi povezani s dobi ne rastu s godinama. Nijedan organ se ne presađuje i nijedan tretman ne usporava nakupljanje promjena DNA unutar stanica.

Što bi sljedeće zakazalo?

Nova studija računalnog modeliranja kombinira matematičke krivulje preživljenja populacije s računalnim simulacijama gubitka stanica potaknutog mutacijama u četiri tkiva. Nudi jedan uvjetan odgovor: postupni gubitak stanica nakon štetnih **somatskih mutacija** mogao bi naposljetku postati usko grlo, osobito u mozgu i srcu. Somatska mutacija promjena je DNA koju jedna tjelesna stanica stekne tijekom života. Ne nasljeđuje se preko jajne stanice ili spermija, a većina takvih promjena niti ubija stanicu niti uzrokuje bolest.

Najistaknutiji rezultat studije modelirani je medijan životnog vijeka između **146 i 194 godine**, ovisno o tome kako se dopušta da kvarovi u četiri tkiva ovise jedni o drugima. Ali to nije procjena koliko dugo ljudi danas mogu živjeti. Nije predviđeni rezultat nekog tretmana. Nije testirana nijedna osoba, životinja ni intervencija protiv starenja.

Taj broj vrijedi samo u namjerno nerealističnom svijetu modela. Upravo je razumijevanje tog svijeta stvarni rezultat.



Model uklanja gotovo svaki progresivni proces starenja prije nego što pita što bi učinio gubitak stanica potaknut

mutacijama. To je uvjetni svijet modela, a ne plan liječenja.

The Clean Paper CC BY 4.0

Prvo izgradite populaciju koja gotovo ne stari

Autori su počeli s podacima o smrtnosti iz Švicarske. Zamrznuli su godišnji rizik smrti na razini izmjerenoj oko 30. godine i zatim taj nizak rizik držali konstantnim zauvijek. U stvarnom životu smrtnost snažno raste s dobi. U ovoj osnovnoj liniji ne raste.

Čak i ta pojednostavljena populacija i dalje gubi ljude zbog **pozadinske smrtnosti**: svih uzroka smrti izvan modeliranog procesa mutacija. Ali budući da se taj rizik nikada ne povećava, računica se proteže na nevjerovatno duga razdoblja. Modelirani medijan preostalog životnog vijeka iznosi **1.759 godina**. Točka na kojoj od svakih 100.000 ljudi iz početne populacije ostane živ samo jedan dolazi nakon **29.221 godine**.

Nijedan broj nije biološka tvrdnja. Pokazuju što se dogodi kada se nizak godišnji rizik mladog odraslog čovjeka beskonačno ekstrapolira.

Rad koristi nekoliko „satova” koje se ne smije spojiti:

- **Opaženi medijan** u referentnoj švicarskoj populaciji bio je 79 godina.
- Opaženi ljudski rekord dugovječnosti koji rad koristi bio je 122 godine.
- **Modelirani medijan** vrijeme je do kojeg je umrla polovica simulirane populacije.
- Modelirani **maksimum** rada nije najstarija moguća osoba. To je vrijeme kada preživljenje padne na 0,001%, odnosno jednog preživjelog na svakih 100.000 ljudi koji su počeli.

Three clocks that must not be merged

Observed lifespan and modeled survival markers answer different questions.

OBSERVED MEDIAN

79 years half of the Swiss reference cohort had died

79

MODELED MEDIAN

156 years four tissues assumed mutually independent

156

MODELED TAIL MARKER

470 years survival falls to one person in 100,000

470

THE 470-YEAR VALUE IS NOT

- an observed record age
- a predicted oldest person
- a hard biological ceiling

Original diagram - The Clean Paper - CC BY 4.0

Opaženi životni vijek, modelirani medijan i modelirani marker preživljenja jedan-na-100.000 odgovaraju na različita pitanja. Marker od 470 godina nije predviđena rekordna dob ni čvrsta biološka granica.

The Clean Paper CC BY 4.0

Zašto jedan preživjeli na 100.000 nazvati „maksimumom“?

Simulacija s glatkom krivuljom preživljenja možda nikada ne dosegne točno nulu. Autori su zato odabrali vrlo malen preživjeli udio, 0,001%, kao operativnu završnu točku. Time se različite simulacije mogu dosljedno uspoređivati. To ne znači da biologija ima zid na toj dobi i ne identificira najstariju moguću osobu.

Stanice koje se ne mogu lako nadomjestiti postaju rano usko grlo

Sljedeći model dodaje gubitak stanica potaknut mutacijama. Mutacija se računa kao smrtonosna samo kada ošteti dovoljno esencijalnog genetskog materijala da stanica postane nefunkcionalna. Vjerojatnost da će se to dogoditi nesigurna je i modelirana je, a nije izmjerena za svaku stanicu.

Autori su prvo razmatrali dvije populacije **postmitotičkih stanica**: zrelih stanica koje se rutinski ne nadomještaju diobom. Primjeri su bili kortikalni neuroni i kardiomiociti, mišićne stanice zbog kojih se srce steže.

Kada je gubitak neurona dodan zamrznutom pozadinskom riziku, modelirana populacija dosegla je

medijan od **194 godine** i marker jedan-na-100.000 pri **557 godina**. Za gubitak kardiomiocita vrijednosti su bile **208 godina** i **868 godina**. Medijani zatajenja samog organa, prije dodavanja pozadinske smrtnosti, bili su oko 198 i 212 godina.

Ti rezultati ne pokazuju da stvarni mozak ili srce imaju ugrađen sat odbrojavanja. Kažu da unutar ovog modela, kada se uklone gotovo svi drugi progresivni problemi, gubitak stanica iz populacija s malo rutinske zamjene postaje važan mnogo ranije nego što bi sam konstantni pozadinski rizik.

Obnavljanje mijenja aritmetiku

Tkiva čije se stanice dijele ponašaju se drukčije jer se izgubljene stanice mogu nadomjestiti.

Za jetrene stanice bez potpore progenitorske populacije modelirani medijan zatajenja organa bio je **37.664 godine**. Ali nakon dodavanja zamrznutog pozadinskog rizika medijan populacije pao je natrag na **1.755 godina**, blizu osnovne linije bez starenja. Zatajenje jetre potaknuto mutacijama događalo se toliko kasno da su pozadinske smrti dominirale prije njega.

Kada je model jetri dao progenitorsku populaciju sposobnu nadomještati stanice, nijedna simulirana jetra nije dosegla prag zatajenja unutar **100.000 godina**. To nije besmrtna jetra. To je desno cenzuriran rezultat: opažanje je završilo prije nego što se pojavilo modelirano zatajenje.

Respiratorne bazalne stanice, koje pomažu obnavljati sluznicu dišnih putova, dosegle su modelirani medijan zatajenja organa od **4.359 godina** i organ-specifični marker jedan-na-100.000 od **7.617 godina**. Nakon dodavanja pozadinske smrtnosti medijan je bio oko 1.755 godina, a marker u repu distribucije **7.132 godine**.

Te tisuće godina nisu predviđanja o plućima ili jetri. Stvarna tkiva trpe upalu, fibrozu, oštećenja krvnih žila, rak, infekcije i interakcije s drugim organima kojih u ovom ogoljenom modelu nema.

Replacement changes the model's failure time

Organ-only clocks are kept separate from population survival after background mortality.

LARGELY NON-DIVIDING CELLS

Cortical neurons
population median 194 years
tail marker 557 years
Heart muscle cells
population median 208 years
tail marker 868 years
lost mature cells are not routinely replaced

REPLENISHING CELL POPULATIONS

Liver without progenitor support
organ-only median 37,664 years
Airway basal cells
organ-only median 4,359 years
replacement and replicative capacity delay failure

SIMULATION-WINDOW BOUNDARY

- With progenitor support, no modeled liver failed within 100,000 years: right-censored, not immortal.

Original diagram - The Clean Paper - CC BY 4.0

Stanice koje se uglavnom ne dijele i tkiva koja se obnavljaju različito reagiraju na modelirani gubitak stanica. Vremena zatajenja samog organa odvojena su od preživljenja populacije nakon dodavanja pozadinske smrtnosti.

The Clean Paper CC BY 4.0

Četiri modelirana tkiva daju 156 godina samo uz neovisnost

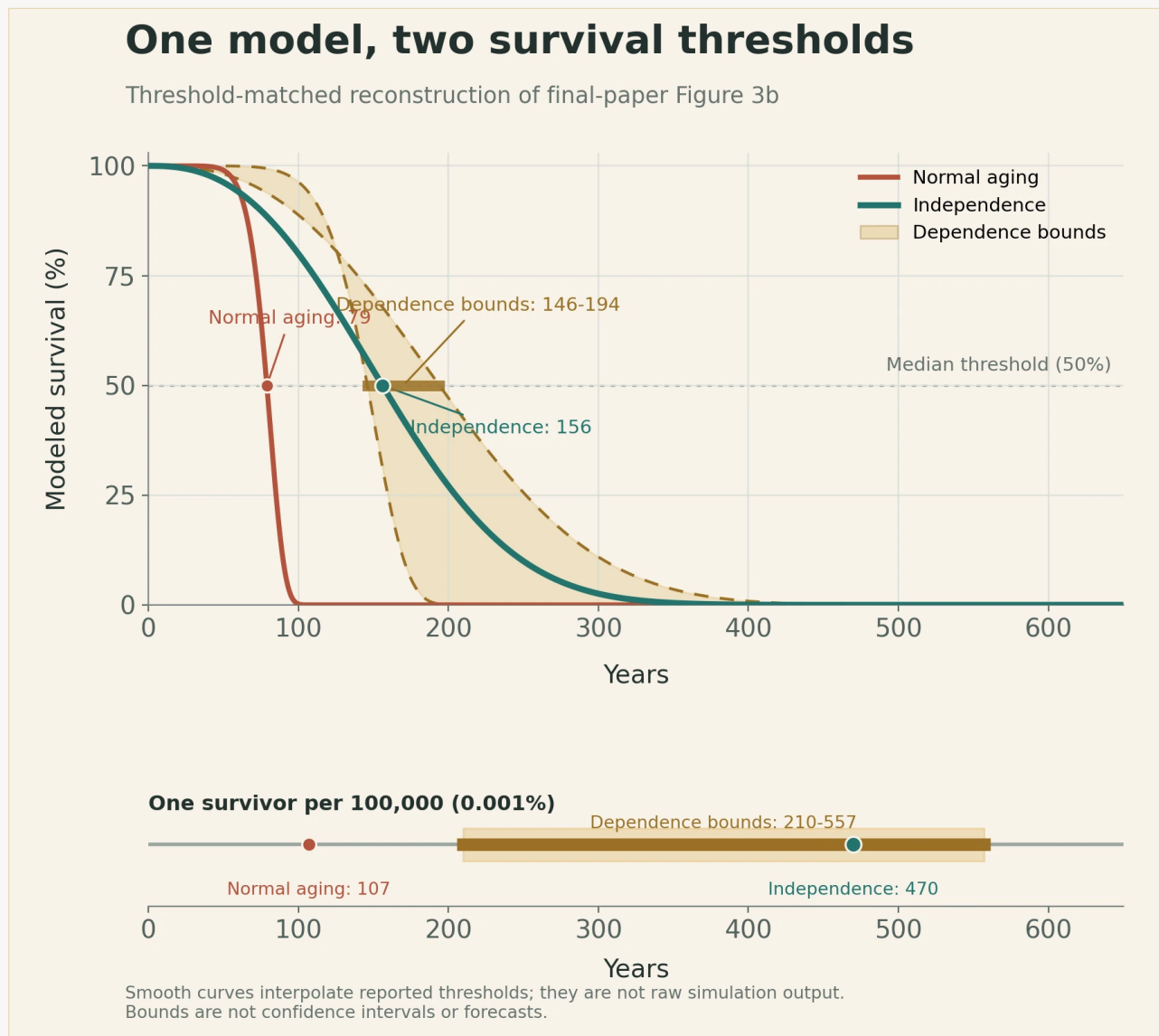
Autori su zatim spojili neurone, kardiomiocyte, hepatocyte i respiratorne bazalne stanice. Tijelo je prikazano kao **sustav pouzdanosti**: ako zakaže bilo koja nužna komponenta, zakaže modelirani organizam. Zamrznuti pozadinski rizik dobi 30 godina ostao je prisutan.

Za spajanje četiriju modela tkiva autori su tijelo tretirali kao serijski sustav: modelirani organizam preživljava samo dok sve potrebne tkivne komponente rade. Uz **međusobnu neovisnost**, znanje o vremenu zatajenja jednog tkiva ne mijenja vjerojatnost zatajenja drugoga, pa se četiri vjerojatnosti preživljenja mogu pomnožiti. Uz tu pretpostavku modelirani medijan životnog vijeka bio je **156 godina**. Marker jedan-na-100.000 bio je **470 godina**.

Neovisnost je matematički praktična, ali organi nisu neovisni strojevi. Dije le krvnu opskrbu, upalu, hormone, živce i sustavni stres. Zatajenje jednog može promijeniti uvjete u drugome.

Kako bi pokazali što nepoznata ovisnost može učiniti, autori su izračunali **Fréchetove granice**: matematičke vanjske granice kombinirane krivulje preživljenja kada je krivulja svake komponente poznata, ali njihova međusobna ovisnost nije. Dobiveni raspon medijana bio je **146 do 194 godine**. Raspon markera jedan-na-100.000 bio je **210 do 557 godina**.

Ti rasponi nisu intervali pouzdanosti oko prognoze. Gornja vrijednost odgovara savršeno usklađenim vremenima zatajenja. S više od dviju komponenti donja Fréchetova granica možda uopće ne odgovara ostvarivom zajedničkom obrascu. Granice pokazuju koliko se odgovor može pomaknuti kada model poznaje dijelove, ali ne i način na koji njihova zatajenja putuju zajedno.



Tirkizna krivulja rezultat je za četiri tkiva uz neovisnost. Jantarna ovojnica povezuje rekonstrukcije matematičkih granica ovisnosti usklađene po pragovima, dok krivulja boje hrđe prikazuje referentni slučaj normalnog starenja iz rada. Budući da konačni izvorni podaci krivulja nisu objavljeni, glatke linije interpoliraju prijavljene prijelaze na 50% i 0,001%; nisu ponovno pokretanje simulacije. Granice su matematička ograničenja, a ne intervali pouzdanosti ili prognoze.

Original chart - The Clean Paper; thresholds from Efimov et al., npj Aging (2026), Figure 3b CC BY 4.0

One reference case, two different uncertainties

Dependence and parameter sensitivity are not the same calculation.

INDEPENDENCE

four organ-failure times assumed mutually independent
median 156 years
tail marker 470 years

DEPENDENCE BOUNDS

same component curves; unknown joint failure pattern
median 146-194 years
tail marker 210-557 years

PARAMETER SENSITIVITY

300 sampled parameter sets; uncertain chance that one mutation kills a cell
some organ clocks can shift by one or two orders of magnitude

WHAT THESE RANGES ARE NOT

- Frechet bounds are mathematical outer limits, not confidence intervals
- none of the values is a forecast of reachable human lifespan

Original diagram - The Clean Paper - CC BY 4.0

Rezultat uz neovisnost jedan je referentni slučaj. Granice ovisnosti matematička su vanjska ograničenja, a 300 skupova parametara prikazuje dodatnu nesigurnost u tome koliko često se pretpostavlja da mutacija ubija stanicu.

The Clean Paper CC BY 4.0

Što je granica ovisnosti?

Pretpostavimo da četiri komponente imaju poznatu vjerojatnost da još rade u određenom vremenu, ali ne znamo imaju li sklonost zakazivati zajedno. Fréchetove granice daju najširi matematički dopušten raspon kombiniranog rezultata bez odabira posebnog obrasca ovisnosti. One omeđuju ono što je matematički moguće kada je međusobna ovisnost nepoznata; nisu granice pogreške dobivene ponovljenim opažanjima ljudi.

Vjerojatnost smrtonosne mutacije velika je nepoznanica

Jedan ulaz modela posebno je težak: vjerojatnost da će nova mutacija biti smrtonosna za stanicu.

Dodatak radu ponovno je pokrenuo analizu kroz **300 skupova parametara**. Za mutacije jedne baze i kratke insercije ili delecije pretpostavljena vjerojatnost da jedna mutacija ubije stanicu imala je zajedničku donju granicu $1,94 \times 10^{-7}$. Gornje granice specifične za stanicu bile su $2,25 \times 10^{-4}$ za neurone, $1,08 \times 10^{-4}$ za kardiomiocite, $1,02 \times 10^{-4}$ za hepatocite, $1,60 \times 10^{-4}$ za progenitorske stanice jetre i $1,77 \times 10^{-4}$ za bazalne stanice dišnih putova. Vrijednosti su uzorkovane neovisno na logaritamskoj skali, pa su se mogle razlikovati za redove veličine, a ne samo nekoliko postotaka.

Promjena tih nesigurnih ulaza pomaknula je neke dobi zatajenja tkiva za faktore od približno 10 do 100. Ipak, svaki ispitani skup parametara zadržao je isti opći redoslijed: tkiva koja se ne dijele postala su ograničena mutacijama ranije od tkiva koja se obnavljaju. Taj stabilni redoslijed podupire usporedbu vrsta tkiva, ali nam ne govori koja je točna procjena životnog vijeka.

Analiza osjetljivosti odgovara na pitanje: „Ostaje li zaključak kada se nesigurni ulazi pomiču?” Ne otkriva koja je vrijednost ulaza stvarna.

Model uklanjanja biologiju koja bi obično stigla prva

Scenarij uključuje samo četiri stanične populacije. Smrtonosne mutacije tretira kao neovisne događaje na razini stanice, a zatajenje organa predstavlja odabranim pragovima populacije. Izostavlja subletalnu disfunkciju, u kojoj stanica preživi ali radi loše. Izostavlja širenje oštećenih klonova koji nadmašuju zdrave stanice. Pojednostavljuje interakcije među organima.

Rak je također ostavljen po strani. Model pretpostavlja da imunološki nadzor uklanja maligne transformacije, pa rak ne raste s dobi. Progresivne upalne, endokrine, vaskularne i neuralne povratne sprege odsutne su.

Postoji i dublji protučinjenični problem. Stope mutacija procijenjene su iz stvarnih tkiva unutar stvarnih tijela koja stare. Model zatim te stope postavlja u tijelo u kojem su oksidativni stres i drugi progresivni procesi starenja uklonjeni. Ne postoji populacija u kojoj se ta kombinirana pretpostavka može izravno validirati.

Dodavanje izostavljenih načina zatajenja moglo bi samo dovesti predloženu gornju granicu ranije. Ne bi prijavljene dobi učinilo lakše dostižnima.

Čemu zapravo služe veliki brojevi

Čita li se unaprijed, čini se da rad ide od 1.759 godina prema 156. Čita li se unatrag, svrha postaje jasnija.

Osnovna vrijednost od 1.759 godina namjerno je apsurdna. Uspostavlja svijet u kojem dob više ne povisuje većinu rizika. Gubitak stanica potaknut mutacijama u modeliranom mozgu i srcu zatim taj svijet vraća prema rasponu koji je još uvijek izvan opaženog ljudskog preživljenja, ali daleko ispod umjetne osnovne linije.

Taj jaz podupire usku ideju: nakupljanje somatskih mutacija moglo bi ostati značajno ograničenje čak i kada bi mnogi drugi progresivni procesi starenja nestali. Ne pokazuje da su mutacije jedini uzrok starenja. Ne kaže da bi uklanjanje mutacija omogućilo navedene dobi. Studija ne modelira ni intervenciju ni štete i kompromise mijenjanja stopa mutacija.

Vrijednost vježbe nije obećanje ekstremno dugog života. To je način da se pita koji kvarovi ostaju

nakon što se uklone očiti.

Sažetak bez uljepšavanja

Studija je demografskim modelom i modelom pouzdanosti tkiva pitala kako bi gubitak stanica potaknut mutacijama mogao ograničiti životni vijek u protučinjeničnom svijetu u kojem je gotovo svaki drugi progresivni proces starenja uklonjen. Pozadinska smrtnost zauvijek je zamrznuta na suvremenoj švicarskoj razini za dob 30 godina. Kombinirane su samo četiri modelirane stanične populacije, a transplantacija ili intervencija koja smanjuje mutacije nije dopuštena. Uz pretpostavku neovisnosti model je dao medijan životnog vijeka od 156 godina i marker jedan-na-100.000 od 470 godina. Kada su autori dopustili bilo koji matematički moguć odnos među zatajenjima tkiva, vanjske granice proširile su vrijednosti na 146-194 i 210-557 godina. Neuron i stanice srčanog mišića postali su ranija uska grla od modeliranih populacija jetre i dišnih putova. To su uvjetni izlazi simulacije, a ne opažene ljudske granice, prognoze liječenja ili dokaz da ljudi mogu živjeti do tih dobi.

Provjera bez okolišanja

Što rad pokazuje: U namjerno ogoljenom modelu gubitak uglavnom nedijelećih stanica potaknut mutacijama postaje važno usko grlo mnogo ranije od zamrznutog niskog pozadinskog rizika smrti. Točni rezultati ovise o modelu organa, pretpostavkama o ovisnosti i parametrima smrtonosnih mutacija.

Što je korisno, ali uvjetno: Integrirani medijan iznosi 156 godina uz međusobnu neovisnost. Uz iste krivulje komponenti, ali nepoznatu ovisnost, matematičke vanjske granice daju 146-194 godine. Marker jedan-na-100.000 iznosi 470 godina uz neovisnost i 210-557 kroz granice.

Što rad ne pokazuje: Da ljudi mogu živjeti 194 ili 557 godina; da su te dobi čvrste biološke granice; da su somatske mutacije jedini uzrok starenja; da bilo koji tretman može ukloniti ostale procese starenja; ili da bi smanjenje mutacija proizvelo modelirani ishod.

Glavna ograničenja: Četiri stanične populacije predstavljaju cijelo tijelo; pozadinska smrtnost zauvijek je zamrznuta na dobi 30 godina; rak i drugi progresivni mehanizmi starenja uklonjeni su pretpostavkom; interakcije organa pojednostavljene su; stope mutacija dolaze iz stvarnih tkiva koja stare; nekoliko pragova zatajenja i vjerojatnosti smrtonosnih mutacija izborni su modeli; a središnja protučinjenična pretpostavka ne može se testirati u ekvivalentnoj ljudskoj populaciji.

Koliko povjerenja treba imati opći čitatelj? Visoko povjerenje da prijavljeni brojevi slijede iz navedenog modela i izbora parametara. Umjereno povjerenje u kvalitativnu razliku između tkiva koja se ne dijele i onih koja se obnavljaju unutar tih pretpostavki. Vrlo nisko povjerenje da bilo koja naslovna dob predviđa dostižan ljudski životni vijek.

Izvori

Efimov et al., Somatic mutations impose an entropic upper bound on human lifespan, npj Aging (2026), article in press

<https://doi.org/10.1038/s41514-026-00421-6>

Computational Aging Lab, model and analysis code

<https://github.com/ComputationalAgingLab/somatic-mutations-simulation>